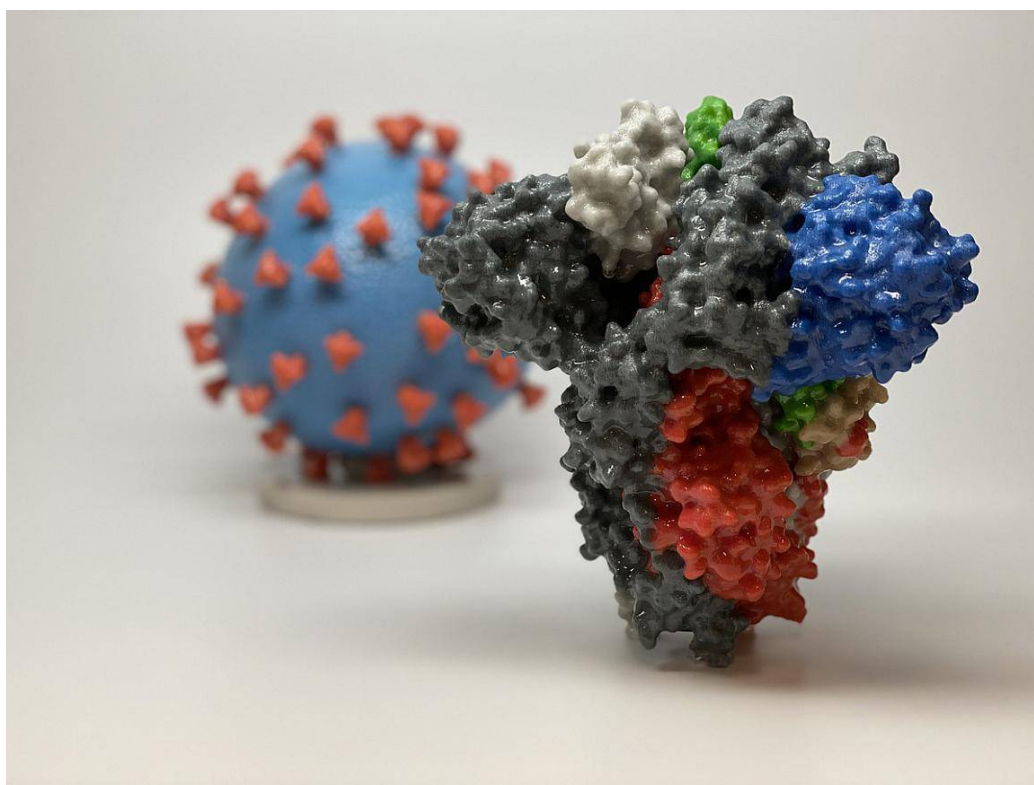


## Si hay nuevas variantes del SARS-CoV-2, ¿qué pasa con las vacunas candidatas?

El linaje detectado en el Reino Unido no parece interferir con los tratamientos y vacunas en desarrollo, aunque falta información. Si se encontrase otro que sí afectara a los fármacos, las plataformas de vacuna aprobadas para su uso en humanos, como ARNm o vectores, también funcionarían. Lo explica la experta en coronavirus Sonia Zúñiga.

José Luis Zafra

21/12/2020 13:45 CEST



Representación de la proteína *spike* del SARS-CoV-2 frente a una partícula del virus. / NIH

El equipo responsable de vigilar la evolución del coronavirus en Reino Unido, el **COVID-19 Genomics Consortium UK**, alertó el pasado sábado la existencia de una [nueva variante del SARS-CoV-2](#) que requiere una mayor vigilancia genómica: la denominada B.1.1.7.

Falta información para corroborar que este linaje sea más transmisible, se disemine más fácilmente, sea más patogénico o afecte a las vacunas y

tratamientos en desarrollo contra la covid-19. Pero [Sonia Zúñiga](#), viróloga del **Centro Nacional de Biotecnología** (CNB-CSIC), indica que esto aún se está investigando y que el aumento de la transmisibilidad no está confirmado.

En primer lugar, Zúñiga aclara a SINC que, al referirnos de la B.1.1.7., debemos hablar de **variante** y no de **cepa**. “Hablamos de cepa, *stricto sensu*, cuando el virus tiene una característica diferente, como que se transmita más, sea más patogénico o que no se neutralice con los anticuerpos. Todas estas mutaciones que aparecen las llamamos variantes hasta que no se descubra que tiene una propiedad biológica diferente”, precisa.

---

Si apareciera una variante que ignorase la inmunidad de los fármacos en desarrollo, Zúñiga aclara que no haría falta repetir todos los pasos de los ensayos clínicos previos a la aprobación de una vacuna

A las puertas del inicio de la campaña de **vacunación** en España y Europa, puede haber una preocupación por una nueva variante que ignore la inmunidad adquirida. Aunque aún falta información para confirmarlo, la viróloga **no cree que este nuevo linaje afecte a las vacunas**.

La **vigilancia genómica** ha ayudado a detectar otras variantes del coronavirus y, por tanto nuevas estrategias para combatirlas, además de las vacunas candidatas. Por ejemplo, la **D614**, “que se ha impuesto en todo el mundo y se sabe que se neutraliza muy bien con los sueros de pacientes infectados con cepas originales chinas o con sueros de animales o personas vacunadas”, detalla.

## No haría falta esperar un año otra vez

Por otro lado, si apareciera una variante que sí ignorase la inmunidad de los fármacos en desarrollo, Zúñiga aclara que no haría falta repetir todos los pasos de los **ensayos clínicos** previos a la aprobación de una vacuna.

“Si la plataforma que se usa para la vacuna ya funciona y está aprobado para

su uso en humanos, como ARN mensajero [[Pfizer/BioNTech y Moderna](#)] o vector [[Oxford/AstraZeneca](#) y [Janssen](#)], no necesitaría pasar por todas las fases”, señala la experta, indicando que sería un proceso similar al de las **vacunas de la gripe**, que se desarrollan una cada año.

Sí existirían **otros exámenes** para comprobar su eficacia, como controles de calidad de la producción comparándolos con los controles de vacunas anteriores o ensayos en animales realizados por las empresas farmacéuticas, pero no todo el proceso de un ensayo clínico estándar en tres fases antes de su comercialización.

Derechos: **Creative Commons**.

TAGS

COVID-19 | SARS-COV-2 | CORONAVIRUS | PANDEMIA | VACUNAS |  
MUTACIONES |

#### Creative Commons 4.0

Puedes copiar, difundir y transformar los contenidos de SINC. [Lee las condiciones de nuestra licencia](#)